

**AREVIR-GenaFor-Meeting**  
**Verbundprojekt Monitoring von resistenten HIV bei frisch infizierten und**  
**chronisch infizierten HIV-Patienten in Deutschland**  
**EuResist**

**Wann: 23.04. bis 24. 04.2009 (jeweils 9:00 Uhr – 18:30 Uhr)**

**Wo: Stiftung caesar, Ludwig Erhard Allee 2, 53175 Bonn**

Kontakt: [Claudia.Mueller@med.uni-duesseldorf.de](mailto:Claudia.Mueller@med.uni-duesseldorf.de) für Anmeldung und Übernachtung

Das Meeting ist mit Teilnehmern aus Europa und findet daher in Englisch statt

Die Resistenztestung ist mittlerweile „standard of care“ in der Versorgung HIV-Infizierter. Die Projekte AREVIR, das Verbundprojekt Monitoring von resistenten HIV mit RESINA und der RKI Serokonverter-Analyse tragen zur besseren Interpretation der Resistenzteste bei und analysieren die Gefahr der Übertragung resistenter HIV in Deutschland. Auf europäischer Ebene werden die Erkenntnisse in das Projekt EuResist eingebracht. Unser Ziel ist letztlich die Vorhersage der Wirksamkeit von Kombinationstherapien, dazu wurde geno2pheno-THEO entwickelt und wird permanent weiterentwickelt, sowie weitere Programme aus dem EuResist Verbund, die seit Mitte letzten Jahres ebenfalls frei zur Verfügung stehen. Unerlässlich bleibt aber trotzdem die Beurteilung der einzelnen Resistenzmutationen. Dieses Ziel verfolgt u. a. HIV-GRADE. Neue Medikamente in neuen Klassen erfordern eine entsprechende Diagnostik. Auch hier sind ergänzende Interpretationswerkzeuge in HIV-GRADE und geno2pheno entwickelt worden. Hierzu zählt die Bewertung der Resistenz, die Analyse des Korezeptorgebrauchs bei HIV vor der Gabe von MVC (Maraviroc) und die Integrase Analyse. Für HBV konnten bereits Erkenntnisse aus dem AREVIR Projekt übernommen werden und es stehen jetzt Interpretationssysteme für HBV-Genotyp und Resistenz gegen antivirale Medikamente aus geno2pheno und von HIV-Grade zur Verfügung. Kommerzielle Systeme sind ebenfalls erhältlich.

Das Meeting dient seit 2000 dem Austausch zwischen Klinikern, Bioinformatikern und Virologen. Wie immer bieten wir allen Teilnehmern an, eigene Fälle mitzubringen. Vor Ort nutzen wir online Interpretationsprogramme. Dazu braucht jeder Interessent nur die Sequenz in Form eines Fasta-Files von HIV oder HBV mitzubringen. Wie immer sind auch diesmal die Hersteller der kommerziellen Teste und die Verantwortlichen der Interpretations-Tools beim Meeting um Fragen zu beantworten und Anregungen aufzunehmen. Ein weiteres Merkmal des AREVIR-Meetings ist auch der Austausch von Laborprotokollen. Hier besteht die Möglichkeit mit den übrigen Teilnehmern Protokolle auszutauschen.

**DONNERSTAG,**

**23.04. 2009**

09:00 **Begrüßung durch den Direktor des Forschungszentrum caesar –  
Jürgen Reifarth**

09:15- 09:30 **Sicht des Patienten**

**Referent:** Thomas Sedlmayer

9:30 – 11:50

**HBV**

**Chairs:** Dieter Glebe / Maria Fraune

**Resistenzbestimmung, Genotypisierung, Internet tools up-date  
Klinische Anwendung/ Primärresistenz bei HBV  
Phänotypische Resistenztestung – das Projekt HOPE  
Escape-Varianten  
WHO-Standards für verschiedene Genotypen  
Daten verschiedener Arbeitsgruppen  
Kommerzielle Assays**

**Referenten:** Martin Obermeier, Rolf Kaiser, Balazs Fülöp, Andreas Erhardt,  
Oliver Schildgen, Ke Zhang, Dieter Glebe, Maria Fraune,  
Michael Chudy

11:50 – 12:00

**Kaffeepause**

12:10 – 13:30

**HIV-2**

**Chairs:** Lutz Gürtler, Melanie Balduin

**Epidemiologie  
Tools für Bestimmung der Viruslast  
Resistenztestung  
Therapieauswahl**

**Referenten:** Josef Eberle, Ricardo Camacho  
Hans-Jürgen Stellbrink, Björn Jensen, Martin Stürmer

13:30 – 14:30

**Mittagessen**

14:30 – 15:30

**HIV Integrase / Coronet**

**Chairs:** Stefan Esser / Nadine Sichtig

**Referenten:** Linos Vandekerckhove, Stefan Esser, Ana Garcia, Nadine Sichtig,  
André Altmann

15:45 – 16:45

**Verbund - Projekte Teil I**

**Chairs:** Eva Wolf, Heribert Knechten

**RKI-Serokonverter  
RegaDB  
RESINA  
CHAIN  
EuResist  
Daten anderer Arbeitsgruppen**

**Referenten:** Barbara Bartmeyer, Pieter Libin, Stefan Reuter, Deenan Pillay, Mattia  
Prosperi, Francesca Incardona

16:45 – 17:00 **Kaffeepause**

17:00 - 17:45 **The EVE study**

**Chair:** Mark Oette

**Referent:** Maurizio Zazzi

**FREITAG, 24.04.2009**

9:00 – 10:15 **Bedeutungen der Mutationen in Gag / Protease**

**Chairs:** Herbert Pfister, Jens Verheyen

**Referenten:** Jens Verheyen, Monique Nijhuis, Chris Verhofstede, Thomas Harrer, Sandra Müller, Finja Schweitzer, Daniel Hoffmann

10:15 – 10:30 **Kaffeepause**

10:30 – 13:30 **HIV: Coreceptor prediction update, Ultra deep sequencing**

**Chairs:** Saleta Sierra Aragon, Christoph Wyen

**Referenten:** Eva Heger, Thomas Klimkait, Caterina Golotta, Alexander Thielen, Mattia Prosperi, Kasia Bozek, Martin Obermeier, Björn Jensen, Martin Däumer

13:30 – 14:30 **Mittagessen**

14:30 – 16:30 **Verbund - Projekte II**

**Chairs:** Francesca Incardona, Daniel Hoffmann

**Corus  
HIV Cell Entry/MedSys  
Kompetenznetz HIV/AIDS  
Assurance  
HIV-Grade  
Arevir**

**Referenten:** Niko Dybowski, Susanna Trapp, Thomas Lengauer, Manon Eckhard, Klaus Jansen, Hans-Peter Grunert, Hauke Walter, Eugen Schülter, Jasmina Bogojeka

16:30 – 17:00 **Kaffeepause**

17:00 - 18:00 **HIV and fitness**

**Chairs:** Thomas Lengauer, Martin Däumer

**Referenten:** Hauke Walter, André Altmann, Kristof Theys

18:00 **Schlusswort** Rolf Kaiser

Die Durchführung des Meetings wird freundlicherweise wieder unterstützt von:

**GlaxoSmithKline, Abbott, Roche, Boehringer Ingelheim, Tibotec, VIRCO, Bristol-Myers Squibb, Gilead, Siemens, Pfizer Pharma, MSD Sharp & Dohme**

Die Veranstaltung ist bei Ärztekammer Nordrhein zur Zertifizierung beantragt.

Das Meeting wird organisiert durch genafor e.V.

Organisationskomitee: Rolf Kaiser, Daniel Hoffmann, Thomas Lengauer,  
Stefan Reuter, Eugen Schülter, Jens Verheyen,  
Mark Oette und Claudia Müller

